



### Analisi su materiale istologico/citologico

#### Ricerca allargata di qualsiasi target terapeutico e analisi per ogni sede

- OCAPlus (Oncomine Comprehensive Assay Plus) (NGS - varianti in più di 500 geni, inclusi *BRCA* e geni coinvolti in HRD, ricerca valore Tumor Mutation Burden, stato dei microsatelliti, variazioni del numero di copie geniche, instabilità genomica/HRD (Score GIM, in corso di validazione))
- Archer FusionPlex (NGS - fusioni in 14 geni, inclusi *ALK, ROS1, RET, MET, NTRK e FGFR*)
- OCAV3 (NGS - varianti in 146 geni, inclusi *BRCA* e geni coinvolti in HRD)
- Stato dei microsatelliti (PCR) + espressione proteine MMR (immunoistochimica)
- TML (Oncomine Tumor Mutation Load Assay) (NGS - ricerca valore Tumor Mutation Burden e mutazioni in 409 geni)
- DPYD* (PCR real time, ricerca di varianti geniche per valutazione tossicità terapia con fluoropirimidine come 5-fluorouracile e Capecitabina)
- PD-L1 (Immunoistochimica, anticorpo SP263, Ventana Roche - Score TPS e/o CPS; se diverso specificare): .....

#### Analisi specifiche per sede

##### Colon - Retto - Stomaco - Esofago - Fegato - Vie biliari - Pancreas

- Ion AmpliSeq Cancer Hotspot Panel v2 (NGS - mutazioni in 50 geni, es. *KRAS, NRAS, PIK3CA, BRAF, IDH, KIT, PDGFRA, FGFR1-2-3*)
- KRAS* (PCR real time, mutazioni)  *BRAF* (PCR real time, mutazioni)  Claudina 18.2 (immunoistochimica)
- Metilazione promotore *MGMT*  Metilazione promotore *MLH1*  EBER (ibridazione in situ - ricerca EBV)
- UGT1A1* (PCR real time, ricerca di varianti geniche per valutazione tossicità terapia con Irinotecan)
- HER2 →  Immunoistochimica (espressione proteica, c-erbB-2)  
→  FISH (amplificazione genica)

##### Endometrio - Ovaio

- Endometrial Custom Panel (NGS - mutazioni in 6 geni, incluso *POLE*)
- HER2 (Immunoistochimica c-erbB-2 - espressione proteica)  FOLR1 (Immunoistochimica - *Folate receptor alpha*)

##### Glioma - Meningioma

- Pannello glioma (OCAV3, metiloma, metilazione promotore *MGMT*, mutazioni *TERT*, delezioni 1p/19q, stato dei microsatelliti)
- Pannello meningioma (metiloma, mutazioni *TERT*)

##### Linfomi

- Lymphoma Custom panel (NGS - mutazioni in 172 geni)
- Clonalità B (PCR - analisi dei frammenti)  Clonalità T (PCR - analisi dei frammenti)  *MYD88* (PCR real time - mutazione specifica L265P)

##### Mammella

- Ion AmpliSeq Cancer Hotspot Panel v2 (NGS - mutazioni in 50 geni, inclusi *PIK3CA, AKT1, PTEN*)
- EndoPredict (espressione genica - predizione recidiva)  *HER2* (FISH - amplificazione)

##### Melanoma

- Ion AmpliSeq Cancer Hotspot Panel v2 (NGS - mutazioni in 50 geni, inclusi *BRAF, NRAS, KIT, GNAQ e GNA11*)
- Archer FusionPlex (NGS - fusioni in 14 geni, inclusi *NTRK, FGFR e ALK*)  *TERT* (PCR real-time - ricerca mutazioni)

##### Ossa e tessuti molli

- Archer FusionPlex Custom (NGS - fusioni in 65 geni, inclusi *NTRK, FGFR e ALK*)  *MDM2* (FISH - amplificazione)

##### Polmone e pleura

- Ion AmpliSeq Lung Cancer Panel v2 (NGS - mutazioni in 22 geni, inclusi *EGFR, BRAF, ERBB2, KRAS e FGFR*)
- Archer FusionPlex (NGS - fusioni in 14 geni, inclusi *ALK, ROS1, RET, MET, NTRK e FGFR*)
- MET* (FISH - amplificazione)  *HER2* (FISH - amplificazione)  *CDKN2A* (FISH - perdita)
- EGFR* (PCR real time, mutazioni)  *KRAS* (PCR real time - mutazioni)  *ALK* (immunoistochimica)

##### Testa collo - Tiroide - Ghiandole salivari

- Tipizzazione HPV (PCR real time, metodica Seegene - ricerca e tipizzazione)
- Pannello tiroide (NGS - Ion AmpliSeq Cancer Hotspot Custom Panel + Archer FusionPlex Custom + *TERT* con PCR real-time)
- Archer FusionPlex Custom (NGS - fusioni in 65 geni, inclusi *NTRK, FGFR e ALK*)

##### Urotelio

- TERT* (PCR real-time - ricerca mutazioni)

- Altre analisi (specificare): .....

#### Analisi per malattie infettive

- Helicobacter pylori* (PCR real-time - mutazioni di resistenza a claritromicina e levofloxacina)
- Mycobacterium tuberculosis complex* (PCR real-time - ricerca infezione)
- Tipizzazione HPV (PCR real time, metodica Seegene - ricerca e tipizzazione)

- Per il dettaglio dei geni inclusi nei pannelli Next Generation Sequencing (NGS) e dei tipi di alterazioni molecolari, consultare la pagina <https://www.eoc.ch/patologia/medici/esami-patologia-molecolare.html>
- Inviare il formulario di richiesta compilato all'indirizzo email [LaboratorioPatologiaMolecolare.patologia@eoc.ch](mailto:LaboratorioPatologiaMolecolare.patologia@eoc.ch)
- Il laboratorio si riserva la possibilità di scegliere la metodica più appropriata in base all'indicazione e al materiale a disposizione.

Via in Selva 24 - 6601 Locarno - Tel +41 (0)91 811 42 01 - [LaboratorioPatologiaMolecolare.patologia@eoc.ch](mailto:LaboratorioPatologiaMolecolare.patologia@eoc.ch)