

ALTRE NEOPLASIE

<p>Paziente (etichetta) Nome e cognome </p> <p>Data di nascita </p> <p>Indirizzo (via, NPA, località) </p> <p><input type="checkbox"/> femmina <input type="checkbox"/> maschio</p> <p><input type="checkbox"/> degente <input type="checkbox"/> ambulatoriale</p>	<p>Medico richiedente (timbro)</p> <p>Copia del referto a: 1. 2. 3.</p>
---	---

Assicurazione Malattia:

Numero assicurato:

Data della richiesta:

Motivo della richiesta:

- Ricerca allargata di qualsiasi target terapeutico
- Ricerca di specifici target terapeutici
- Monitoraggio
- Altro:

Materiale:

Campione istologico, numero referto:

Campione citologico, numero referto:

Sede:

Diagnosi:

Note:

Biopsia Liquida*

Osservazioni

**Il campione deve pervenire entro 24h dal prelievo: accordarsi preventivamente con il laboratorio tel. +41 (0)91 811 42 01, laboratoriopatologiamolecolare.ICP@eoc.ch*

Profilo genico tumorale - richiesta di analisi per specifica sede e/o neoplasia

Melanoma

- Ion AmpliSeq Cancer Hotspot Panel v2 (NGS - mutazioni in 50 geni, inclusi BRAF, NRAS, KIT, GNAQ e GNA11)
- Archer FusionPlex (NGS - fusioni in 14 geni, inclusi NTRK, FGFR e ALK)
- TERT (ricerca mutazioni con metodica sequenziamento diretto)
- Ricerca allargata di qualsiasi target terapeutico¹

Glioma - Meningioma

- Oncomine Comprehensive Assay v3 (NGS - varianti in 146 geni, inclusi IDH, H3F3A, HIST1H3B e BRAF)
 Nota: con questo pannello NGS viene anche valutata l'amplificazione genica del gene EGFR
- Metilazione promotore MGMT
- Metiloma (NGS - Brain Tumor Methylation Classifier)
- TERT (ricerca mutazioni con metodica sequenziamento diretto)
- 1p/19q (co-delezione con metodica FISH)
- CDKN2A (perdita allelica con metodica FISH)
- Instabilità microsatelliti (metodica PCR) + espressione proteine MMR (metodica IHC)

Linfomi

- Clonalità B
- Clonalità T
- MYD88 (ricerca mutazione specifica con metodica PCR)
- Lymphoma Custom panel (NGS - mutazioni in 172 geni)

Testa collo – Tiroide – Ghiandole salivari

- Tipizzazione HPV (ricerca con metodica PCR real time)
- Ricerca allargata di qualsiasi target terapeutico¹
- Pannello tiroide (NGS - Ion AmpliSeq Cancer Hotspot Custom Panel + Archer FusionPlex Custom)

Ossa e tessuti molli

- Archer FusionPlex Custom (NGS - fusioni in 65 geni, inclusi NTRK, FGFR e ALK)
- MDM2 (amplificazione genica con metodica FISH)

Altre analisi

- Oncomine Tumor Mutation Load Assay (NGS - ricerca valore Tumor Mutation Burden e mutazioni in 409 geni)
- DPYD

Biopsia liquida

- Oncomine Colon cfDNA Assay (NGS - mutazioni in 14 geni, inclusi KRAS, NRAS, BRAF, PIK3CA e CTNNB1)

Altro

¹ Ricerca allargata di qualsiasi target terapeutico, analisi incluse:

Oncomine Comprehensive Assay v3 (NGS - varianti in 146 geni, inclusi BRCA, FGFR e geni HRD)

Archer FusionPlex (NGS - fusioni in 65 geni, inclusi NTRK, FGFR e ALK)

Instabilità microsatelliti (metodica PCR) + espressione proteine MMR (metodica IHC)

- Per il dettaglio dei geni inclusi nei pannelli Next Generation Sequencing (NGS) e dei tipi di alterazioni molecolari, consultare la pagina <https://www.eoc.ch/patologia/medici/esami-patologia-molecolare.html>
- Inviare il formulario di richiesta compilato all'indirizzo email laboratoriopatologiamolecolare.ICP@eoc.ch
- Il laboratorio si riserva la possibilità di scegliere la metodica più appropriata.