

## GASTROINTESTINALE ED EPATOPANCREATICO

**Paziente** (etichetta)

Nome e cognome

.....

Data di nascita

.....

Indirizzo (via, NPA, località)

.....

.....

.....

 femmina maschio degente ambulatoriale**Medico richiedente** (timbro)**Copia del referto a:**

1.

.....

2.

.....

3.

.....

**Data della richiesta:****Motivo della richiesta:** Ricerca di qualsiasi target terapeutico Ricerca di specifici target terapeutici Monitoraggio Altro: .....**Materiale:** Campione istologico, numero referto: ..... Campione citologico, numero referto: .....

Sede: .....

Diagnosi: .....

Note: .....

 Biopsia Liquida\*

Osservazioni .....

\*Il campione deve pervenire entro 24h dal prelievo: accordarsi preventivamente con il laboratorio tel. +41 (0)91 811 42 01, [laboratoriopatologiamolecolare.ICP@eoc.ch](mailto:laboratoriopatologiamolecolare.ICP@eoc.ch)

<b>Profilo genico tumorale<sup>1</sup></b> (Next Generation Sequencing)*	<b>Analisi di mutazioni<sup>2</sup></b> <b>Microsatelliti<sup>2</sup></b> <b>Metilazione<sup>2</sup></b> <b>Fusioni geniche<sup>2</sup></b>	<b>Biopsia liquida<sup>3</sup></b> (Next Generation Sequencing)*	<b>Immunoistochimica<sup>4</sup></b> <b>FISH<sup>5</sup></b> <b>HPV<sup>6</sup></b>
<p><b>Ricerca completa (qualsiasi target terapeutico)</b></p> <p><input type="checkbox"/> Oncomine™ Comprehensive Assay v3 + Archer FusionPlex Custom Panel (mutazioni in 146 geni + fusioni geniche in 65 geni) + MSI</p> <p><b>Ricerca specifica</b></p> <p><input type="checkbox"/> Oncomine™ Comprehensive Assay v3 (146 geni)</p> <p><input type="checkbox"/> Ion AmpliSeq™ Cancer Hotspot Panel v2 (50 geni)</p> <p><input type="checkbox"/> Cancer Hotspot Custom Panel (15 geni)</p> <p><input type="checkbox"/> Oncomine™ BRCA Research Assay (2 geni)</p> <p><input type="checkbox"/> Oncomine™ Tumor Mutation Load Assay (409 geni)</p> <p><input type="checkbox"/> Archer FusionPlex Custom Panel (65 geni)</p> <p><input type="checkbox"/> Archer® FusionPlex Lung (14 geni)</p>	<p><b>Analisi di mutazioni</b></p> <p><input type="checkbox"/> BRAF</p> <p><input type="checkbox"/> CTNNB1 (β-catenina)</p> <p><input type="checkbox"/> IDH1/2</p> <p><input type="checkbox"/> KIT</p> <p><input type="checkbox"/> KRAS</p> <p><input type="checkbox"/> NRAS</p> <p><input type="checkbox"/> PDGFRA</p> <p><input type="checkbox"/> PIK3CA</p> <p><b>Microsatelliti</b></p> <p><input type="checkbox"/> MSI (PCR)+ MMR protein (IHC)</p> <p><b>Metilazione</b></p> <p><input type="checkbox"/> MGMT</p> <p><input type="checkbox"/> MLH1</p> <p><b>Fusioni geniche</b></p> <p><input type="checkbox"/> FGFR1/2/3</p> <p><input type="checkbox"/> NTRK1/2/3</p>	<p><b>Ricerca specifica</b></p> <p><input type="checkbox"/> Oncomine™ Colon cfDNA Assay (14 geni)</p>	<p><b>IHC</b></p> <p><input type="checkbox"/> BRAF V600E</p> <p><input type="checkbox"/> HER2 se score 2 segue FISH</p> <p><input type="checkbox"/> MMR</p> <p><input type="checkbox"/> p16</p> <p><input type="checkbox"/> PD-L1</p> <p><b>FISH</b></p> <p><input type="checkbox"/> HER2</p> <p><b>Tipizzazione</b></p> <p><input type="checkbox"/> HPV</p>

<b>Tariffe</b>		
1	NGS - Ricerca completa NGS - Ricerca specifica	3294.2 PT OCAV3: 1882.4 PT, BRCA: 1882.4 PT, TML: 2353.0 PT, Archer Custom: 1882.4 PT Altri pannelli: 1411.8 PT
2	Analisi di mutazione Microsatelliti Metilazione Fusioni geniche	470.6 PT per singolo gene 470.6 PT 470.6 PT per singolo gene 1411.8 PT
3	Biopsia Liquida	1882.4 PT
4	IHC	HER2: 174.0 PT; altri marcatori: 87.0 PT
5	FISH	HER2: 941.2 PT
6	HPV	135.3 PT

\*Per il dettaglio dei geni inclusi nei pannelli NGS e dei tipi di alterazioni molecolari valutabili, consultare la pagina <https://www.eoc.ch/patologia/medici/esami-patologia-molecolare.html>.  
Per altre informazioni tel. +41 (0)91 811 42 01, [laboratoriopatologiamolecolare.ICP@eoc.ch](mailto:laboratoriopatologiamolecolare.ICP@eoc.ch).

Il laboratorio si riserva la possibilità di scegliere la metodica più appropriata.